

Datos personales

Sr.

Sexo:Hombre

Datos de envío

BARCELONA


BARCELONA

Sr. **K01194450**

Compañía

LAB.DR.ECHEVARNE - R
LAB. DR. ECHEVARNE ANALISIS, S.A.

Le informamos que, según la Ley Orgánica de Protección de Datos de Carácter personal (LEY 15/1999 de 13 de diciembre), sus datos personales, así como los resultados de los análisis clínicos, serán recogidos en un fichero automatizado que será utilizado, únicamente, para la realización de los servicios solicitados por Ud.

	Nº Análisis K01194450	Fecha toma de muestra 15/06/2015	Fecha recepción 15/06/2015	Fecha edición 25/06/2015 (1)
---	---------------------------------	--	--------------------------------------	--

PRUEBA	K01194450	RESULTADO	UNIDADES	VAL.DE REFERENCIA
--------	-----------	-----------	----------	-------------------

Genética Molecular

INFORME PATERNIDAD

MUESTRAS

<u>Tipo</u>	<u>Identificación</u>	<u>Parentesco</u>
Saliva	PADRE	P
Saliva	HIJO	H

DETERMINACIÓN SOLICITADA

STRs autosómicos: Paternidad Padre-Hijo

TÉCNICA


Análisis de STRs mediante QF-PCR

A partir de ADN_g obtenido de la muestra se procede a la amplificación por QF-PCR de 15 marcadores STRs incluidos en AmpFlSTR® NGM PCR Amplification Kit (Applied Biosystems). El material amplificado es separado por electroforesis capilar con el sistema de análisis genético 3130 (Applied Biosystems) y analizado con el software GeneMapper ID v3.2. El cálculo estadístico se realiza con el Software PATCAN.

RESULTADO: INCLUSIÓN

Probabilidad de paternidad (%): 99,9999986
Índice de paternidad (IP): 282.331.090

IP/IM: Indica cuántas veces es más probable que el supuesto progenitor sea el

	Nº Análisis K01194450	Fecha toma de muestra 15/06/2015	Fecha recepción 15/06/2015	Fecha edición 25/06/2015 (1)
---	---------------------------------	--	--------------------------------------	--

PRUEBA K01194450 RESULTADO UNIDADES VAL.DE REFERENCIA

progenitor biológico con respecto a un individuo tomado al azar de entre los de su misma población. El estudio estadístico se ha realizado teniendo en cuenta la frecuencia de los alelos en la población española (obtenidos de GHEP-ISFG).

STR	P	H	Compatibilidad
D8S1179	12/14	13/14	SI
D21S11	28/30	28/32	SI
D2S441	14.2/15	15/16.3	SI
D12S391	13/16	13/15	SI
D3S1358	15.3/16	15.3/17	SI
TH01	7/8.2	7/10	SI
D22S1045	11/16	12/16	SI
D16S539	9/10.2	9/13	SI
D2S1338	20/23	23/26	SI
D19S433	14.2/15	15/16	SI
VWA	14/16	14/18	SI
D1S1656	12/15	15/16	SI
D18S51	12/15	12/18	SI
D10S1248	9/10	9/12	SI
FGA	24/26	26/27.3	SI
AMELOGENINA	XY	XX	

CONCLUSIÓN

INCLUSIÓN

El individuo donante de la muestra identificada como "P" no puede ser excluido como padre biológico del individuo donante de la muestra identificada como "H".

La probabilidad de paternidad siguiendo los predicados verbales de Hummel corresponde a una PATERNIDAD PRÁCTICAMENTE PROBADA.

Con la técnica empleada se han analizado 15 marcadores STR y el marcador de género Amelogenina, formando el perfil genético que es único para cada individuo con una fiabilidad del 99,9999%. Se realiza el perfil genético del hijo y del supuesto padre y se comparan los marcadores obtenidos. Puesto que un hijo posee un alelo heredado de la madre y otro del padre biológico para cada marcador, se considera padre biológico cuando para todos los marcadores, uno de los dos alelos del hijo es compatible con uno de los alelos del supuesto padre. En este caso se calcula la probabilidad de paternidad, que es superior al 99,99% cuando comparten los 15 marcadores analizados.

Si hay tres o más alelos que no coinciden entre el hijo y el supuesto padre, se excluye la paternidad con una certeza del 100%. La probabilidad de paternidad será del 0%. Un solo marcador incompatible se incluirá en el cálculo de IP, teniendo en cuenta su tasa de mutación.

Factores limitantes de la técnica:

- Contaminación de ADN exógeno desde su recogida y durante el análisis.

